機能ゲノミクス領域

お問い合わせフォーム

必要事項をご記入の上、PDIS.genome\_analysis@riken.jp宛に送信ください。

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| (1)お名前と連絡先 | お名前**必須** |  |
| ふりがな |  |
| 所属機関**必須** |  |
| 電話番号**必須** |  |
| メールアドレス**必須** |  |
| 確認のためもう一度**必須** |  |
| 研究室のURL |  |
| (2) 問い合わせ内容分かる範囲で結構です。ご記入をお願いします。 | 利用したい支援 | □　核酸抽出□　ライブラリ作製（領域A）□　ライブラリ作製（領域B）　　◯　伊藤研究室　　◯　神原研究室　　◯　白髭研究室　　◯　二階堂研究室　　◯　橋本研究室□　シーケンス□　一般的なデータ解析□　高度なデータ解析 |
| 解析内容 | □　遺伝発現解析（RNA-seq）□　遺伝子発現　(SAGE-seq)□　転写開始点解析　(CAGE)□　small RNA解析　□　タンパク質—DNA相互作用　(ChIP-Seq)□　全ゲノムメチル化解析　(Whole Genome BS-seq)□　標的メチル化解析 (Targeted BS-seq) □　ゲノムリシーケンス (Re-sequence)□　新規ゲノム配列解析　(de novo Seq)□　エキソン領域解析　(Exome) |
| データ解析 | □　アッセンブリーのみ□　当該解析の標準データ解析(遺伝子発現解析)□　当該解析の高度解析(例、パスウェイ解析)□　複数データの統合解析 |
|  | 問い合わせ内容**必須** |  |
| (3)試料について | 生物種**必須** | ◯　ヒト　◯　マウス　◯　その他(　　　　　　　　　　　) |
| 試料数 | 　　個 |
| 試料調製時期 | ◯　既にある　◯　採択後3ヶ月以内　◯　採択後6ヶ月以内 |
| ヒトサンプルの場合**必須**ヒト倫理試料に該当 | ◯　はい　◯　いいえ　 |
| 遺伝子組み換え生物に該当 | ◯　はい　◯　いいえ |
| (4)他 | 次世代シーケンサの解析経験 | ◯　無し　◯　有り　解析内容(　　　　　　　　　　　) |
| その他質問事項 |  |