

プロテオームのアノテーション

[技術の概要]

- プロテオーム規模のデータに対し様々なアノテーションを提供します。
 - 配列ホモロジー
 - 構造ドメインアサインメント
 - 天然変性予測
 - ファミリー分類
- 支援に供する設備名など
 - プロテオームデータベース:GTOP
 - 天然変性領域予測:DICHOT
 - 天然変性データベース:IDEAL
- 比較ゲノム研究の経験を生かし、生物種特有のタンパク質情報と機能情報を提供します。

[技術の利用例]

- ゲノムを決定した。
- 大量のプロテオーム情報がある。
- 大量の発現情報がある。

これら大規模データを解析して、生物種特有の現象をプロテオームの観点から探ります。

有害菌特有のタンパク質が見つければ
有力な薬剤ターゲットになります。

連絡先

[所属] 前橋工科大学工学部

[名前] 福地佐斗志

[E-mail] sfukuchi@maebashi-it.ac.jp