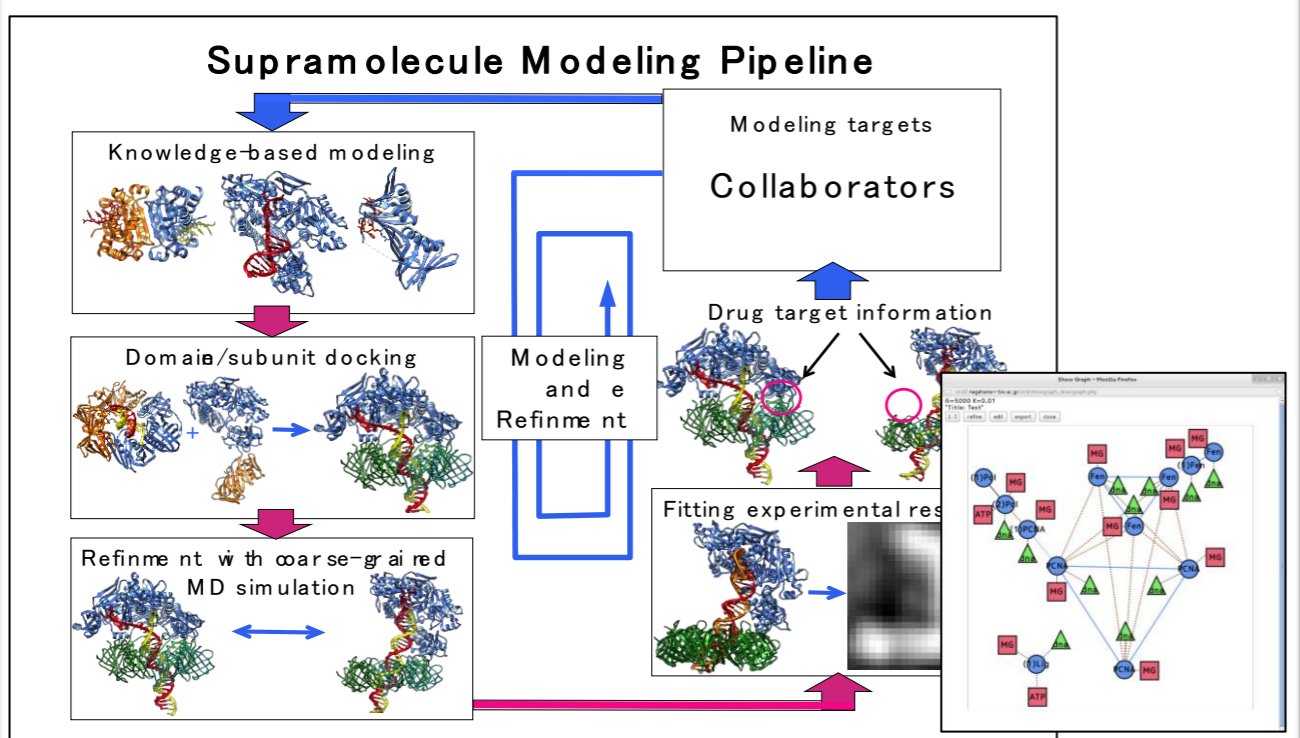


超分子モデリングパイプライン

[技術の概要]

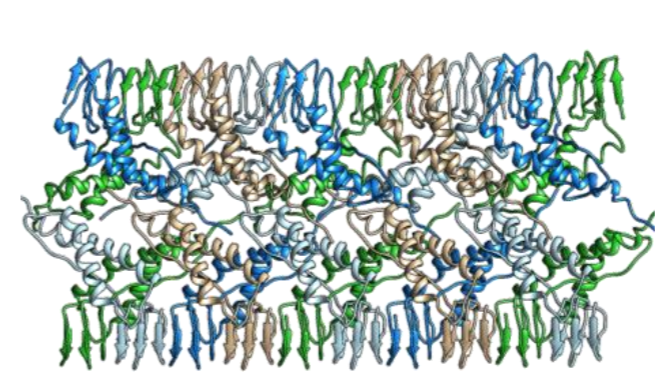
知識ベースモデリング(データベースからのモデリングテンプレート発見)・ドメイン=ドッキングスタディ・粗視化シミュレーション・複合体モデル可視化解析システムを組み合わせたパイプラインで、多面的+多角的(multi-discipline)に超分子複合体の立体構造モデルを構築します。



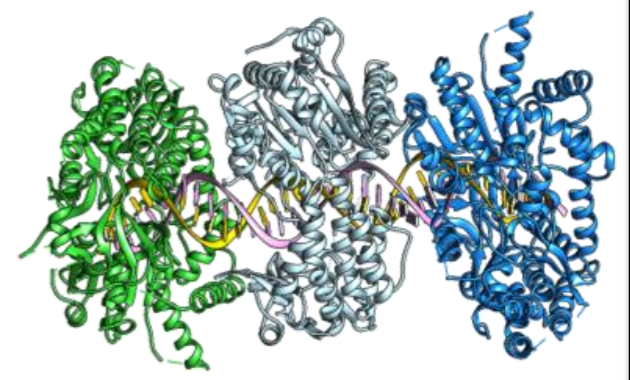
超分子モデリングパイプライン(左)とモデルグラフ(右)

[技術の利用例]

プリオン病 (PrP^{Sc}) やアイカルディ・ゴートイエ症候群 (MDA5) の原因となる超分子複合体のモデルを構築し、疾患原因変異の解析に貢献しています。



PrP^{Sc}
Structure (2014)



MDA5
Am. J. Hum. Genet (2014)

連絡先

[所属] 長浜バイオ大学

[名前] 白井 剛

[E-mail] t_shirai@nagahama-i-bio.ac.jp