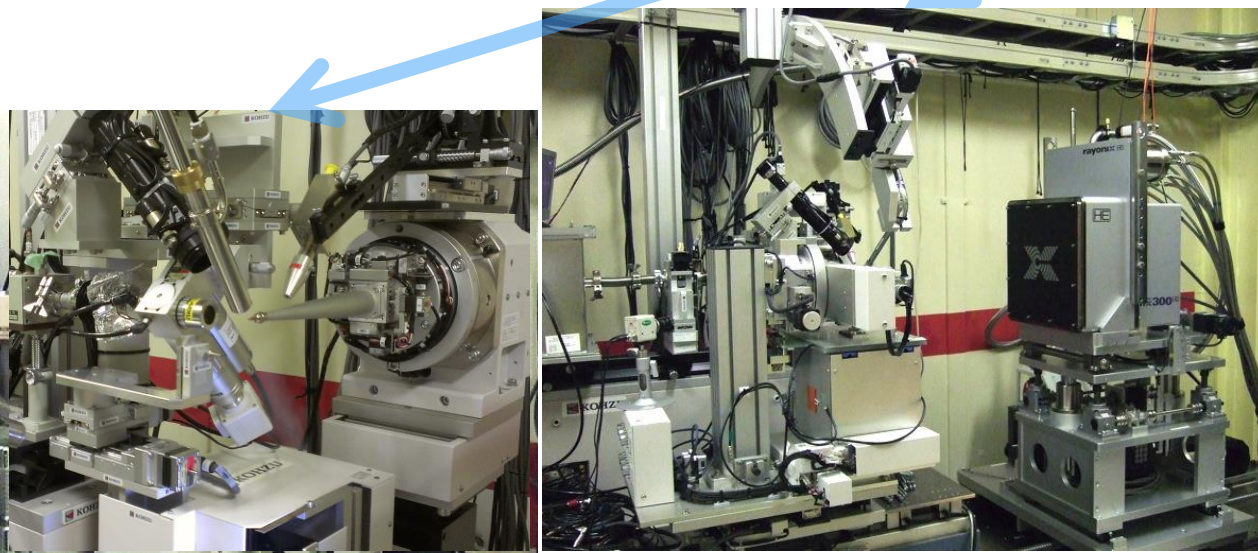
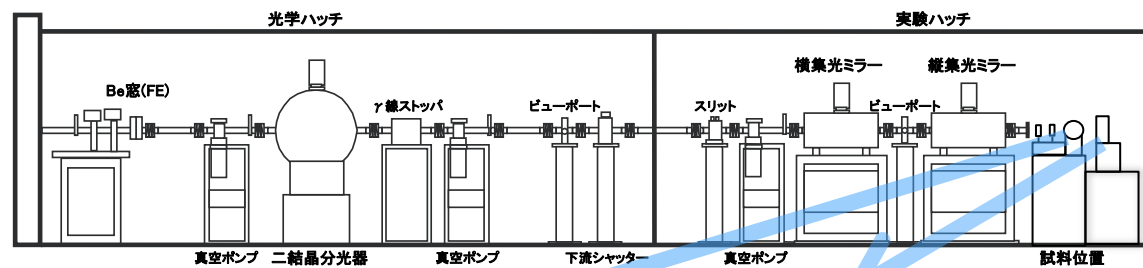


# 生体超分子複合体構造解析ビームライン

## [技術の概要]

SPring-8 生体超分子複合体構造解析ビームライン  
(BL44XU) (蛋白研ビームライン)

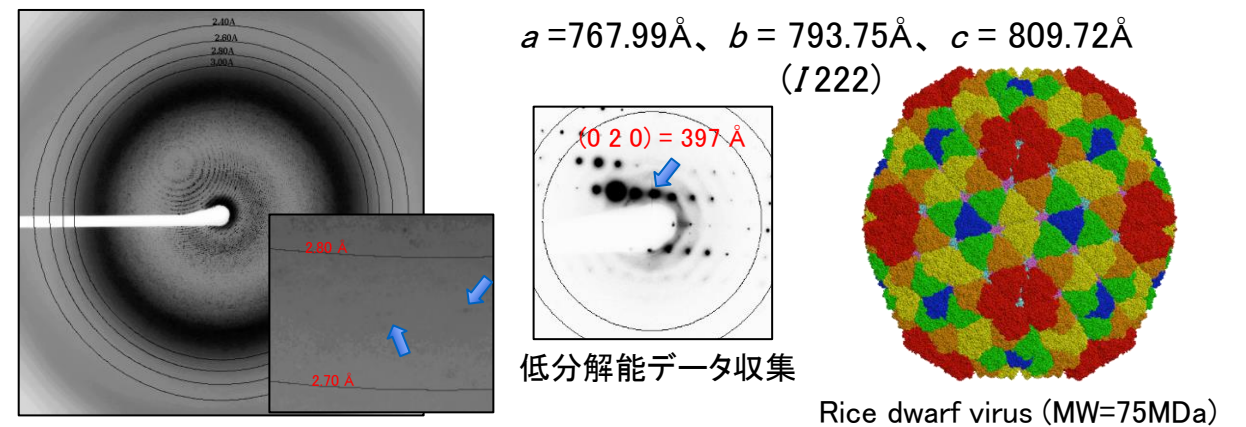


500Åを超える長格子定数結晶や分解能の低い結晶、膜蛋白質結晶などからの高精度な回折強度データ収集と構造解析(超高分解能データ収集も可能)

- 2000Åの格子定数の結晶から3.7Å分解能のデータ収集が可能
- 光学系のレイアウト変更なしで0.7Å以上の高分解能データ収集が可能

## [技術の利用例]

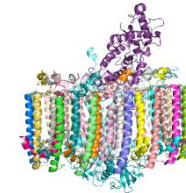
巨大なウイルス結晶からの回折強度データ収集



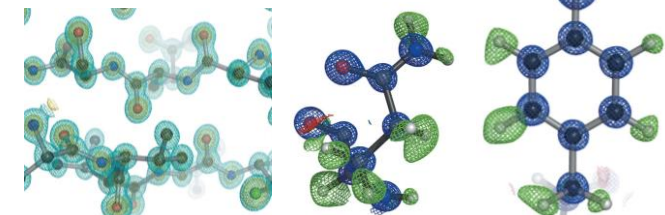
高分解能データ収集

膜蛋白質複合体の構造解析

LH1-RC 複合体  
(MW=393KDa)



超高分解能データ収集



## 連絡先

[所属] 大阪大学蛋白質研究所

[名前] 中川敦史

[E-mail] [bladmin@protein.osaka-u.ac.jp](mailto:bladmin@protein.osaka-u.ac.jp)